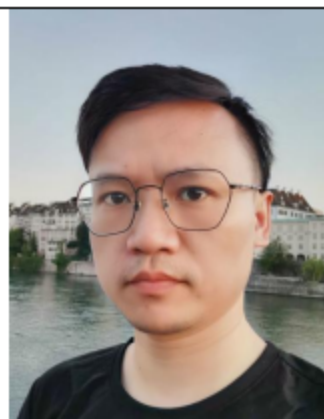


一、基本信息

姓名 杨梦云
职称 副教授
专业 计算机科学与技术
学位 博士
学院 理学院
研究领域 人工智能、机器学习、生物信息学



二、教育背景（从大学起）

2003/9-2007/6 邵阳学院，数学与应用数学，本科
2009/9-2012/6 湖南师范大学，计算数学，硕士
2017/9-2020/12 中南大学，计算机科学与技术，博士

三、工作经历

2012/9 - 现在，邵阳学院，理学院，助教、讲师、副教授
2019/9 - 2020/3，美国欧道明大学，计算机科学系，访问学者

四、学术兼职

计算生物学与生物信息学专业委员会委员
ISBRA2021 程序委员会成员

五、科研项目（主持）

- [1] 主持 2019 年湖南省研究生科研创新项目（项目名称：基于矩阵填充的药物重定位研究，项目编号：CX20190125，2019-5 至 2021-9，3 万），已结题。
- [2] 主持 2021 年湖南省教育厅重点项目（项目名称：面向多相似性数据的药物重定位方法研究，项目编号：21A0478，2021-9 至 2023-12，6 万），在研。
- [3] 主持 2022 年湖南省自然科学基金面上项目（项目：基于多视图学习的药物重定位计算方法研究，项目编号：2022JJ30549，2022-1 至 2024-12，5 万），在研。

六、学术成果（代表性成果选填五项）

- [1] Mengyun Yang, Huimin Luo, Yaohang Li, Jianxin Wang. Drug repositioning based on bounded nuclear norm regularization[J]. *Bioinformatics (ISMB/ECCB 2019)*, 2019, 35(14): i455-i463. (SCI 收录, 中科院二区 TOP)
- [2] Mengyun Yang, Huimin Luo, Yaohang Li, Fang-Xiang Wu, Jianxin Wang. Overlap matrix completion for predicting drug-associated indications[J]. *PLOS Computational Biology*, 2019, 15(12): e1007541. (SCI 收录, 中科院二区)
- [3] Mengyun Yang, Lan Huang, Yunpei Xu, Chengqian Lu, Jianxin Wang. Heterogeneous graph inference with matrix completion for computational drug repositioning[J]. *Bioinformatics*, 2020, 36(22-23): 5456-5464. (SCI 收录, 中科院二区 TOP)
- [4] Mengyun Yang, Gaoyan Wu, Qichang Zhao, Yaohang Li, Jianxin Wang. Computational drug repositioning based on multi-similarities bilinear matrix factorization[J]. *Briefings in Bioinformatics*, 2021, 22(4). (SCI 收录, 中科院一区 TOP)

[5] Mengyun Yang, Yaohang Li, Jianxin Wang. Feature and Nuclear Norm Minimization for Matrix Completion[J]. IEEE Transactions on Knowledge and Data Engineering, 2022, 34(5), 2190-2199. (SCI 收录, CCF A 类, 中科院二区)

七、奖励与荣誉

[1] 2020 年获 Big Data Mining and Analytics 期刊的 Excellent Paper Award

[2] 2021 年获 ACM 中国优秀博士论文奖

[3] 2022 年湖南省普通高校青年骨干教师